



### 个人简介

魏珍, 博士, 讲师。2004年09月至2008年07月就读于郑州大学生物工程系(现生命科学学院), 生物技术专业, 获理学学士。2008年09月至2011年07月就读于郑州大学生物工程系(现生命科学学院), 植物学专业, 获理学硕士。2011年09月至2012年05月, 就读于荷兰阿姆斯特丹大学理学院生物多样性和生态系统动态研究所

(University of Amsterdam, Faculty of Science, Institute for Biodiversity and Ecosystem Dynamics), 博士研究生, 导师 Prof. Dr. M.E. Schranz; 2012年06月至2016年01月, 就读于荷兰瓦赫宁根大学与研究中心植物科学系生物系统组(Wageningen UR, The Chair Group of Plant Sciences, Biosystematics Group), 获博士学位, 导师 Prof. Dr. M.E. Schranz, 博士论文题目“Genetic diversity and evolution in *Lactuca* L. (Asteraceae) - from phylogeny to molecular breeding”。

主要研究方向: 1) 基于叶绿体系统基因组学的莴苣属(代表物种生菜)物种进化研究, 包含叶绿体基因组的拼装, 注释以及系统进化分析。2) 与盐胁迫有关的生菜分子基因图谱育种和 HKT-1 基因在生菜中的表达研究, 包含分子遗传育种和植物分子逆境生理等方向。至今发表 SCI 论文 3 篇; 受邀为 *Frontiers in Plant Science* 杂志审稿。2014年08月3日至8日, 参加在美国纽立举行的 Gordon 国际会议“Salt and Water Stress in Plants”, 并作为大会唯一口头报告博士生。

#### 近期论文:

Zhen Wei, ..., M. Eric Schranz. 2014. A mixed-model QTL analysis for salt tolerance in seedlings of crop-wild hybrids of lettuce. *Molecular Breeding*, 34(3): 1389-1400

Zhen Wei, Shixin Zhu, R. G. Van den Berg, Freek T. Bakker, M. Eric Schranz. 2015.

Phylogenetic relationships within *Lactuca* L. (Asteraceae) including African species, based on chloroplast DNA sequence comparisons. *Genetic Resources and Crop Evolution*, DOI: 10.1007/s10722-015-0332-5

Freek T. Bakker, Di Lei, Jiaying Yu, Setareh Mohammadin, Zhen Wei, ..., Rens Holmer. 2015. Herbarium genomics: plastome sequence assembly from a range of herbarium specimens using an Iterative Organelle Genome Assembly (IOGA) pipeline. *The Biological Journal of the Linnean Society*, DOI: 10.1111/bij.12642

#### 国际会议口头报告:

NWO-ALW meeting 'Experimental Plant Sciences' (Oral presentation), Lunteren (The Netherlands), 2015.04.14

Gordon Conference: Salt & Water Stress in Plants (Oral presentations), Newry (US), 2014.08.04

**Email:** [weizhen@zzu.edu.cn](mailto:weizhen@zzu.edu.cn)

